

Интенсив по анализу метаженомов 2 поток

Расписание

30 сентября

17:00

Сбор в холле кампуса Сколтеха (перед турникетами) и регистрация

17:30–19:00

Лекция «Современные технологии секвенирования»

19:00–20:30

Лекция «Поиск природных антибиотиков»

1 сентября

10:30

Сбор в холле кампуса Сколтеха (перед турникетами) и регистрация

11:00–17:00

Практикум по анализу геномов продуцентов антибиотиков

2 сентября

10:30

Сбор в холле кампуса Сколтеха (перед турникетами) и регистрация

11:00–13:00

Лекция «Защитные системы прокариот»

13:30–17:00

Практикум по поиску защитных систем в прокариотических метаженомах

С собой

Паспорт!

Если у Вас не будет при себе паспорта, Вас могут не пропустить в здание.

Ноутбук

Он необходим для практических занятий (1-2 октября). Планшеты для работы не подходят. Если совсем нет возможности принести ноутбук, то как можно быстрее напишите на почту (studymetarussia@gmail.com). У нас есть некоторый запас ноутбуков на крайний случай, но их количество очень ограничено. Постарайтесь одолжить у кого-нибудь ноутбук, если у вас его нет.

Еда или деньги на обед

К сожалению, в выходные столовая в Сколтехе не будет работать. Можно взять еду с собой (есть микроволновки) или воспользоваться автоматами для перекуса (сэндвичи, шоколад и т.д.)

Необходимое программное обеспечение

Для выполнения практических занятий на ноутбук необходимо установить несколько программ (они бесплатны). Настоятельно рекомендуем позаботиться об установке программ заранее, чтобы не тратить время на практических занятиях. Если у Вас возникли проблемы с установкой программ, можете обратиться к нам за помощью после лекций в первый день.

Для Windows

PutTY

Клиентская программа для подключения к серверу по ssh
<https://www.chiark.greenend.org.uk/~sgtatham/putty/latest.html>

Скачайте установочный файл «putty-64bit-0.77-installer.msi», запустите его и установите программу.

WinSCP

Программа для передачи файлов между компьютером и удаленным сервером

<https://winscp.net/eng/download.php>

Скачайте установочный файл (большая зеленая кнопка «Download WinSCP»), запустите его, установите программу.

SnapGene Viewer

Программа для просмотра файлов биологических последовательностей

<https://www.snapgene.com/snapgene-viewer/>

SnapGene Viewer бесплатный, однако для скачивания нужно ввести адрес электронной почты. Выберите версию для Windows, скачайте установочный файл и запустите.

Bandage

Программа для визуализации графов сборки геномных последовательностей

<https://rrwick.github.io/Bandage/>

Скачайте версию для Windows, распакуйте архив (для zip архивов в Windows есть встроенный архиватор).

PyMOL

Программа для визуализации 3D-структур молекул

<https://pymol.org>

The image shows a vertical stack of five software download pages. 1. Putty: A page titled 'Package files' with a table of download links for different architectures (64-bit x86, 64-bit Arm, 32-bit x86) and a Unix source archive. The '64-bit x86' link is circled in red. 2. WinSCP: A page for 'WinSCP 5.19.6 (10.9 MB)' with a list of features and a 'Download WinSCP' button. 3. SnapGene Viewer: A page for 'SnapGene Viewer' with a 'Download SnapGene Viewer for Free' button and an email input field. 4. Bandage: A page for 'Bandage' with a 'Download Windows' button and a screenshot of the software interface. 5. PyMOL: A page for 'Download PyMOL 2.5' with buttons for 'Windows EXE Installer', 'Windows ZIP Archive', 'macOS DMG Disk Image', and 'Linux TAR.BZ2 Archive'.

Для MacOS

Доступ по ssh и передача файлов по scp можно осуществить встроенными средствами.

SnapGene Viewer

Программа для просмотра файлов биологических последовательностей

<https://www.snapgene.com/snapgene-viewer/>

SnapGene Viewer бесплатный, однако для скачивания нужно ввести адрес электронной почты. Выберите версию для MacOS, скачайте установочный файл и запустите.

Bandage

Программа для визуализации графов сборки геномных последовательностей

<https://rrwick.github.io/Bandage/>

Скачайте версию для Mac, распакуйте архив.

PyMOL

Программа для визуализации 3D-структур молекул

<https://pymol.org>

Для Linux

Доступ по ssh и передача файлов по scp можно осуществить встроенными средствами.

SnapGene Viewer

Программа для просмотра файлов биологических последовательностей

<https://www.snapgene.com/snapgene-viewer/>

Зависит от сборки Linux. Если у Вас Debian/Ubuntu/Mint – можно скачать deb файл и установить через gdebi:

```
sudo apt update
```

```
sudo apt install gdebi-core
```

```
gdebi snapgene_viewer_6.0.5_linux.deb
```

Bandage

Программа для визуализации графов сборки геномных последовательностей

<https://rrwick.github.io/Bandage/>

Скачайте версию для Linux, распакуйте архив: unzip -d Bandage Bandage_Ubuntu_dynamic_v0_8_1.zip

PyMOL

Программа для визуализации 3D-структур молекул

<https://pymol.org>

The image is a vertical collage of four screenshots from software download pages. From top to bottom: 1. SnapGene Viewer download page for Mac, showing an email input field and a 'Download' button. 2. Bandage download page for Mac, with a red arrow pointing to the 'Download Mac' button. 3. PyMOL 2.5 download page for Mac, with a red arrow pointing to the 'macOS DMG Disk Image' button. 4. A duplicate of the SnapGene Viewer download page for Mac.

Онлайн-участие

Лекции и практикум будут транслироваться через сервис для конференций BigBlueButton, всегда по одной и той же ссылке:

<https://vc.skoltech.ru/b/mat-gu0-if6-zo9>

FAQ (часто задаваемые вопросы)

Q: Я заблудился/заблудилась на территории Сколково, не могу найти аудиторию, что делать?

A: Пишите в телеграм-чат или звоните по номеру +7 968 751 5802 (Светлана Козлова)

Q: Можно ли позвать на оффлайн лекцию своего преподавателя или друга, которые не регистрировались?

A: К сожалению, нельзя.

Q: У меня не получается установить программу/программа не работает, что делать?

A: Опишите проблему в нашем telegram-чате. Постарайтесь решить проблему с софтом заранее!

Q: Будут ли сертификаты?

A: Да, будут, если вы пройдете весь курс.

Q: Можно ли приехать на территорию Сколтеха на личном транспорте?

A: Да, если вы до 15:00 29.09 пришлете на почту studymetarussia@gmail.com следующие данные:

- Номер автомобиля полностью (с регионом)
- ФИО водителя
- Марка автомобиля

Разрешена только высадка пассажиров и парковка за территорией! Если вы оставите автомобиль у Сколтеха, его увезет эвакуатор.



Telegram-канал с чатом для оперативной связи

https://t.me/meta_an_2

Skoltech 

Laboratory of Metagenome Analysis